

# INTERPRETATION TABLE

## DRB1\*07 PCR-SSP subtyping

Amplification patterns of the DRB1\*0701 to 0715 alleles

	Well5											
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
Length of spec.	230	185	185	90	190	170	165	165	105	165	105	210
PCR product				230	230							
Length of int.	<b>515</b>	430	430	430	430	430	430	430	430	<b>515</b>	<b>515</b>	430
pos. control <sup>1</sup>												
5'-primer(s) <sup>2</sup>	14	29	29	14	14	14	14	37	57	14	14	21
	5'-ATA <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	5'-AgT <sup>3'</sup>	5'-ATA <sup>3'</sup>	5'-ATA <sup>3'</sup>	5'-ATA <sup>3'</sup>	5'-ATA <sup>3'</sup>	5'-Ag g <sup>3'</sup>	5'-CT A <sup>3'</sup>	5'-AT A <sup>3'</sup>	5'-AT A <sup>3'</sup>	5'-g AA <sup>3'</sup>
	14		30									
	5'-ATA <sup>3'</sup>		5'-gA T <sup>3'</sup>									
3'-primer(s) <sup>3</sup>	78	78	78	29	64	57	55	78	78	55	35	78
	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-..T <sup>3'</sup>	5'-T CC <sup>3'</sup>	5'-C Ag <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-g CA <sup>3'</sup>	5'-C CC <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>
	78			77	77							
	5'-gTA <sup>3'</sup>			5'-A AT <sup>3'</sup>	5'-A gg <sup>3'</sup>							
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
DRB1 allele <sup>4</sup>												
*070101-070102	1	2										
*0703	1		3									
*0704	1			4								
*0705	1	2			5							
*0706	1	2				6						
*0707	1	2					7					
*0708	1	2						8				
*0709	1	2	3									
*0710N	1	2		4								
*0711	1				5							
*0712	1	2							9			
*0713	1	2								10		
*0714	1	2									11	
*0715	1	2										12
DRB1 allele <sup>4</sup>												
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12